



El estudio de GEICAM se ha presentado en la Sesión Plenaria de SEOM2019

HALLAN SEIS GENES RELACIONADOS CON LA EFICACIA DE LA TERAPIA NEOADYUVANTE EN CÁNCER DE MAMA TEMPRANO

- **Mediante un análisis del genoma completo de estos tumores, se han identificado alteraciones genómicas predictivas de obtención de una respuesta patológica completa y de buen pronóstico de estas pacientes**

Pamplona, 25 de octubre de 2019.- El Grupo GEICAM de investigación en cáncer de mama, mediante un análisis del genoma completo, ha identificado en el brazo largo del cromosoma 21 seis genes (CHAF1B, CBR3, CBR1, RCAN1, SLC5A3 y RUNX1) relacionados con la eficacia de la terapia neoadyuvante en cáncer de mama temprano, según las conclusiones del trabajo presentado por el Dr. Emilio Alba, coordinador del Área de Oncología del Instituto de Investigación Biomédica de Málaga y director de la Unidad de Oncología Intercentros del Hospital Universitario Regional y Virgen de la Victoria, durante la Sesión Plenaria del Congreso de la Sociedad Española de Oncología Médica, SEOM2019, que se está celebrando en Pamplona.

Después de varios trabajos publicados en los últimos cinco años sobre tratamiento neoadyuvante en cáncer de mama en donde se investigaban diferentes estrategias terapéuticas, el objetivo del estudio actual ha sido identificar, con un análisis del genoma completo de estos tumores, alteraciones genómicas predictivas de obtención de una respuesta patológica completa y de buen pronóstico de la paciente.

“Utilizando técnicas genómicas sofisticadas, hemos encontrado seis genes correlacionados con esa respuesta patológica, que predicen la eficacia de la terapia neoadyuvante. Se trata de los genes CHAF1B, CBR3, CBR1, RCAN1, SLC5A3 y RUNX1”, ha subrayado el Dr. Alba, primer firmante del estudio, donde han participado en la parte clínica hospitales del Grupo GEICAM, y en la parte de secuenciación masiva, la Universidad de Cambridge, mientras que el análisis bioinformático se ha realizado a caballo entre la Universidad de Cambridge y GEICAM.

Identificados estos seis genes, el paso siguiente es validarlos en una población más amplia de pacientes para determinar si están relacionados con una respuesta patológica completa, ha explicado el Dr. Alba. “Si es así, podremos identificar en qué pacientes es efectiva la quimioterapia como terapia neoadyuvante y en cuáles no”, ha concluido el oncólogo médico.

El estudio, presentado por el Dr. Alba, es una de las cuatro mejores comunicaciones científicas, expuesta en la Sesión Plenaria, de las 560 presentadas en el Congreso SEOM2019.

Acerca de SEOM



La Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM) es una sociedad científica de ámbito nacional, sin ánimo de lucro, constituida por más de 2.700 profesionales del ámbito de la

Oncología, con el objetivo de mejorar la prevención, el diagnóstico, el tratamiento y el seguimiento del cáncer con un enfoque multidisciplinar. Para ello promueve estudios, actividades formativas y de investigación, divulgación e información dirigidos a sus socios, los pacientes y la sociedad en general.

SEOM es el referente de opinión sobre la Oncología en España y es garante de la defensa y promoción de la calidad, la equidad y el acceso a la atención del paciente oncológico. Los valores que la definen son: rigor científico, excelencia profesional, innovación, integridad, compromiso, independencia, colaboración y transparencia

Para saber más sobre la Sociedad Española de Oncología Médica, puede visitar su página oficial <http://www.seom.org> o seguirnos en nuestro canal de Twitter @_SEOM.

Para más información y gestión de entrevistas:

Departamento de Comunicación SEOM
Mayte Brea – maytebrea@seom.org 663 93 86 42
José García - josegarcia@seom.org – 663 93 86 40